

SKINTYPE 皮膚基因檢測

Genetic Testing for Skincare

一次破解多項肌膚密碼



從個人 DNA 了解自己的膚質
SKINCARE FOR YOUR TYPE

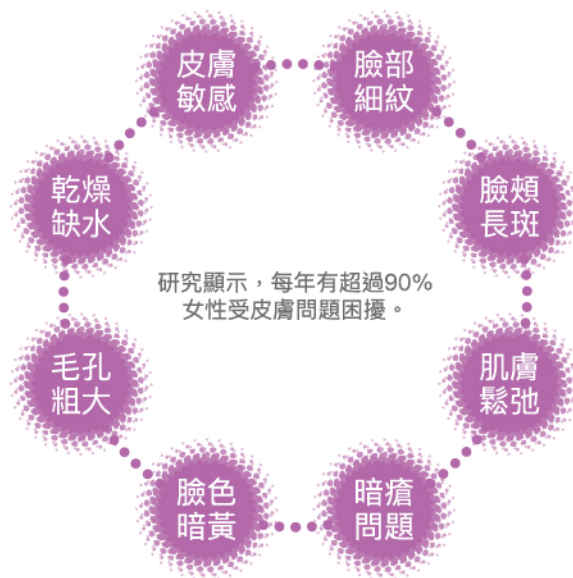
INTL-DNA
RESEARCH CENTER
國際基因科研中心

LGHC.2104.V2

基因膚質檢測

基因決定每個人的不同，包括了皮膚各個方面的特性如膚色、老化速度及對環境的反應。不同膚質的人對於護膚品的適應和吸收是有差距的。如果在沒有瞭解清楚自己膚質的情況下，盲目使用了不適合自己的護膚產品，不但沒有明顯的改善，更可能出現嚴重的皮膚問題。

SkinType皮膚基因檢測助你從DNA層面了解自己的膚質。在確認自己獨特的皮膚遺傳傾向後，可以針對性地選擇最適合自己的護膚方案，或在皮膚問題出現之前專注保養，讓肌膚時刻保持最佳狀態，光彩動人。



產品優勢

- ✓簡單：6mL血液樣品，或口腔細胞
- ✓全面：檢測十四個重要的皮膚特質及能力傾向，共59個基因位點
- ✓專業：
 - 檢測個人膚質的基因型
 - 提示個人的皮膚特質及能力傾向
 - 提供護膚及生活建議，協助減低皮膚問題的出現，達到最佳美肌效果

以科學方法，一次解透十四項肌膚問題 提供護膚及生活建議，協助達到極致美肌效果

油性皮膚：皮膚分泌的油脂一方面有保濕、抵禦環境污染等功能，但是如果皮膚控油能力弱，油脂分泌過多，也可能引起痘痘的問題。

粉刺：也叫痤瘡，主要與皮脂分泌過多、毛囊皮脂腺導管堵塞、細菌感染和炎症反應等因素密切相關。

靜脈曲張：血管不正常迂曲、擴張，最常發生在下肢。

老年斑：隨著年齡的增長，細胞代謝機能減退，體內脂肪容易發生氧化而產生的色素斑塊。

酒糟鼻：常發於顏面中部、鼻尖和鼻翼部，還可延及兩頰、頷部和額部。

妊娠紋：在妊娠時期腹部皮膚會出現一些寬窄不同、長短不一的粉紅色或紫紅色的波浪狀花紋。

泛黃粗糙：肌膚新陳代謝過慢，導致多餘的糖分長時間在血液中游離，過多的糖分會附著在膠原蛋白上，使膠原蛋白斷裂或紊亂。

鬆弛老化：肌膚與外界的持續接觸，在人體內積累有害物質，最終導致皮膚缺水，暗沉，鬆弛及老化。

橘皮紋：脂肪團指的是皮膚表面出現凹凸不平，呈現出類似於橘皮的表面的狀態。

皮膚衰老：指皮膚功能衰老性損傷，使皮膚對機體的防護能力減弱，主要表現為出現細小皺紋、彈性下降、皮膚鬆弛等。

黑色素：當皮膚接受紫外線後，引起肌膚中黑色素合成的過程。

日曬斑：主要是由日光紫外線照射形成，呈橢圓形突起或平滑斑塊，顏色為深棕色或者褐黑色。

雀斑：發生面部皮膚上的黃褐色點狀色素沉著斑。

皮膚乾燥：皮膚保濕能力通常指皮膚鎖水的功能，防止出現皮膚乾燥、敏感等皮膚水分流失的表現。

檢測內容

檢測項目	位點數目	檢測基因					
抗曬黑反應能力	17	IRF4	HERC2	SLC45A2	TYR	PPARGC1B	ATP11A
		KIAA0930	LURAP1L-AS1	TRPS1	DCT	INTRON	
抗氧化能力 (鬆弛、老化)	4	GPX1	NQO1	NFE2L2	SOD2		
抗糖化能力 (泛黃、粗糙)	2	AGER					
抗雀斑能力	5	TYR	BNC2	NCOA6	INTRON		
皮膚保濕能力	4	ST14	AQP3	FLG	INTRON		
抵禦粉刺能力	6	C11orf49	MIR548F3	INTRON			
皮膚抗衰老能力	2	WTAPP1	INTRON				
抵禦妊娠紋能力	4	MIR548F1	SRPX	INTRON			
抵禦老年斑能力	3	PPARGC1B	INTRON				
抵禦日曬斑能力	5	IRF4	RALY	BNC2	INTRON		
皮膚控油能力	3	FADS1	PPARG	CYP17A1			
抵禦酒糟鼻能力	1	INTRON					
抵禦脂肪團能力 (橘皮紋)	1	HIF1A					
抵禦靜脈曲張能力	2	MTHFR					

適合對象

- 關心肌膚健康的人士
- 希望保持年輕肌膚的人士
- 希望達到極致美肌效果的人士
- 容易皮膚敏感的人士
- 皮膚年齡較同齡的人看起來成熟的人士
- 嘗試過不同護膚方式但未見效的人士

樣品需求

- 3–6mL血液(EDTA管)；或
- 口腔細胞

報告周期

- 25–30個工作日

檢測流程



參考文獻

1. Visser M, Kayser M, Palstra RJ. *HERC2 rs12913832 modulates human pigmentation by attenuating chromatin-loop formation between a long-range enhancer and the OCA2 promoter.* *Genome Res.* 2012;22(3):446–55.
2. Naval J, Alonso V, Herranz MA. *Genetic polymorphisms and skin aging: the identification of population genotypic groups holds potential for personalized treatments.* *Clin Cosmet Investig Dermatol.* 2014;7:207–14.
3. Pettersson-fernholm K, Forsblom C, Hudson BI, et al. *The functional –374 T/A RAGE gene polymorphism is associated with proteinuria and cardiovascular disease in type 1 diabetic patients.* *Diabetes.* 2003;52(3):891–4.
4. Sulem P, Gudbjartsson DF, Stacey SN, et al. *Genetic determinants of hair, eye and skin pigmentation in Europeans.* *Nat Genet.* 2007;39(12):1443–52.
5. Basel-vanagaite L, Attia R, Ishida-yamamoto A, et al. *Autosomal recessive ichthyosis with hypotrichosis caused by a mutation in ST14, encoding type II transmembrane serine protease matriptase.* *Am J Hum Genet.* 2007;80(3):467–77.
6. Navarini AA, Simpson MA, Weale M, et al. *Genome-wide association study identifies three novel susceptibility loci for severe Acne vulgaris.* *Nat Commun.* 2014;5:4020.
7. Saeidi S, Chamaie-nejad F, Ebrahimi A, et al. *PPARγ Pro12Ala and C161T polymorphisms in patients with acne vulgaris: Contribution to lipid and lipoprotein profile.* *Adv Med Sci.* 2018;63(1):147–151.
8. Chang ALS, Raber I, Xu J, et al. *Assessment of the genetic basis of rosacea by genome-wide association study.* *J Invest Dermatol.* 2015;135(6):1548–1555.



www.idnarc.com

香港尖沙咀山林道 7 號漢國佐敦中心 16 樓
16/F, Hon Kwok Jordan Centre, 7 Hillwood Road, Tsim Sha Tsui, HK

Tel: (852)3618 9124